

BIOGRAFÍAS
Instituto BroadINMEGEN,
8 y 9 de septiembre, 2011

Dra. Wendy Winckler

Directora. Plataforma de Análisis Genético

Wendy es la Directora de la Plataforma de Análisis Genético (PAG) en el Instituto Broad. Ella lidera las labores en genotipificación de SNPs y producción de expresión genética, informática asociada y administración de proyectos. El equipo del PAG está compuesto por 45 técnicos de laboratorio, administradores de proyecto y laboratorio, ingenieros computacionales, y analistas de datos, todos dedicados a producir datos genéticos certeros y de alta calidad, integrados con herramientas computacionales para el diseño experimental, la administración de datos, y el análisis.

Wendy comenzó a investigar en el Instituto Whitehead / Centro de Investigación en Genoma del MIT (ahora parte del Broad) hace ocho años y ha colaborado en varias posiciones como líder, incluyendo administradora de proyecto para el cáncer y genómica, científica para el proyecto Atlas en Cáncer y Genómica y asistente de director de la Plataforma de Análisis Genético.

Email: Winckler@broadinstitute.org

Robert Nicol

Director. Operaciones de Secuenciación y Desarrollo de Tecnologías.

Robert Nicol es Director de Secuenciación de alto rendimiento para la Plataforma de Secuenciación Genética del Instituto Broad. En este puesto, él supervisa el desarrollo tecnológico, operaciones, cadena de suministro y grupos de proyectos especiales.

Previamente se desempeñó como administrador de proyecto para la Corporación Flour, la compañía pública de construcción e ingeniería más grande de los EUA. Fue responsable de proyectos en el extranjero a gran escala para grandes compañías petroquímicas. En 1999, se trasladó al MIT, donde fue alumno del programa Líderes para Manufactura, desempeñándose como investigador en sistemas y procesos manufactureros.

Al terminar su estancia en el MIT en 2001, Rob se pasó al Instituto Whitehead / Centro de Investigación en Genoma del MIT (ahora parte del Broad), como Director de Operaciones en Secuenciación. En esta posición, fue responsable de implementar procesos industriales de diseño, control, y mejora de técnicas para la investigación biológica.

Recibió su doctorado en Sistemas de Ingeniería del MIT en 2010, su maestría en negocios y ciencias en ingeniería química del MIT en 2001 y es ingeniero mecánico por la Universidad de Houston, año 1992.

Email: Nicol@broadinstitute.org

Jane Wilkinson.

Directora Asociada. Plataforma de Secuenciación Genética.

Jane es Directora Asociada de la Plataforma de Secuenciación Genética del Instituto Broad. Ella diseña y dirige estrategias operativas y organizacionales para dicha plataforma, vigila la administración en proyectos de secuenciación y se asegura de que la plataforma alcance las altas y complejas metas para diversos proyectos científicos con fechas y entregas específicas. Administra la interfaz entre la plataforma y varios programas científicos, asegurándose que las metas de proyectos sean claramente comunicadas y que las responsabilidades y división de labores queden claras para las dos partes. Ella revisa los reportes en el progreso de proyectos dentro de la plataforma, además de la calidad de proyectos generales individuales, el liderazgo del grupo, agencias que financian, científicos y colaboradores.

Jane tiene 18 años de experiencia en secuenciación genética de alto rendimiento para la Wellcome Trust Genome Center y la Compañía Monsanto. Ha estado con el Broad por nueve años y ha trabajado en varias posiciones de liderazgo.

Email: Jane@broadinstitute.org

Andrew Crenshaw.

Director Asistente de Operaciones. Plataforma de Análisis Genético.

Andrew es el Director Asistente de Operaciones de la Plataforma de Análisis Genético (PAG) en el Instituto Broad. Administra actividades cotidianas en genotipificación de SNPs y producción de expresión genética. En conjunto con el Director y el Director Asistente de Informática, mantiene líneas de comunicación entre informática y el plantel de administración de proyectos. Además de coordinar los equipos de laboratorio ocupados de generar datos genéticos de alta calidad y certeros, trabaja con todas las facetas del ciclo de un proyecto, incluyendo a los Investigadores Principales, Ventas, Plantas, Finanzas y otras plataformas del Broad.

Andrew trabajó previamente en la Core Genotyping Facility del Instituto Nacional del Cáncer en Bethesda. Llegó al Broad en diciembre del 2007 como gerente de operaciones del PAG.

Email: Crenshaw@broadinstitute.org

Melissa Parkin

Gerente de Desarrollo Técnico. Plataforma de Análisis Genético.

Melissa administra el Desarrollo Técnico para la Plataforma de Análisis Genético (PAG). Su equipo se enfrenta a proyectos especiales que no entran dentro de la plataforma establecida y que generalmente presentan requisitos desafiantes. Su equipo prueba nuevas tecnologías dentro del PAG. También

trabaja con ingenieros computacionales para construir muestras y rastreo de datos en nuevas tecnologías. Melissa ha estado en el Broad por seis años, usando la gran parte de su tiempo en tecnologías de genotipificación enfocadas a incrementar la calidad de datos recabados. En los últimos dos años su enfoque ha sido identificar estudios de seguimiento y tecnologías de perfil de expresión.

Email: MParkin@broadinstitute.org

Ryan Hegarty

Asociado Mayor del Proceso de Desarrollo. Plataforma de Secuenciación Genética.

Ryan trabaja en desarrollo de procesos para el Grupo de Desarrollo Tecnológico de la Plataforma de Secuenciación Genética. El grupo se especializa en identificar, evaluar, optimizar e implementar las futuras tecnologías de secuenciación y está actualmente enfocado en la Tecnología de Secuenciación Illumina. Con alto rendimiento automatizado, técnicas de manufactura en diseño, y herramientas de visualización de datos, el grupo mantiene 51HiSeqs y procesa más de 2000 muestras a la semana. Las responsabilidades de Ryan incluyen la evaluación de tecnologías para probar nuevas muestras, desarrollar protocolos especializados, y colaborar con clientes en secuenciación. Ryan ha estado en el Broad por más de seis años y los últimos cinco los ha dedicado al desarrollo y mejora de protocolos de prueba de muestras múltiples, incluyendo aplicaciones de selección híbrida y de todo el genoma.

Email: Rhegarty@broadinstitute.org

BIOGRAFÍAS

Instituto Nacional de Medicina Genómica, INMEGEN

Dr. Jorge Melendez-Zajgla.

Subdirector de Investigación Básica

El Doctor Jorge Meléndez obtuvo la Licenciatura en Medicina en la Escuela de Medicina de la Universidad Anáhuac. Estudió la Maestría en Ciencias en Biología Celular así como el Doctorado en la Facultad de Ciencias de la Universidad Nacional Autónoma de México, UNAM.

Se ha desempeñado como Investigador en Ciencias Médicas en el Instituto Nacional de Cancerología, Profesor Titular en la Facultad de Estudios Superiores Iztacala, UNAM, y como Jefe de la División de Investigación en el Hospital Juárez de México. Es miembro de la Academia Nacional de Medicina y de la Academia Mexicana de Ciencias.

Ha trabajado por 15 años en biología molecular y genómica funcional del cáncer, publicando más de 70 estudios sobre estos temas.

Email: jmelendez@inmegen.gob.mx

Karol Carrillo Sánchez.

Responsable de la Unidad de Secuenciación e Identificación de Polimorfismos.

Karol Carrillo Sánchez obtuvo la Licenciatura de Químico Bacteriólogo Parasitólogo en el Instituto Politécnico Nacional, IPN, en 2001. Realizó una estancia de dos años en el Instituto de Biotecnología de la Universidad Nacional Autónoma de México en Cuernavaca, Morelos.

A partir de 2005, se incorporó al Instituto Nacional de Medicina Genómica, INMEGEN, donde adquirió experiencia en la Unidad de Genotipificación y Análisis de Expresión. Actualmente es Responsable de la Unidad de Secuenciación e Identificación de Polimorfismos.

Su campo de experiencia profesional se compone de: biología molecular, secuenciación capilar, PCR en Tiempo Real, y secuenciación de segunda generación. Ha publicado más de cuatro estudios sobre estos temas.

Email: kcarrillo@inmegen.gob.mx

Fabiola Morales Mandujano.

Responsable de la Unidad de Genotipificación y Análisis de Expresión y Químico Jefe de Sección de Laboratorio de Análisis Clínicos.

Fabiola Morales Mandujano obtuvo la Licenciatura de Químico Farmacéutico Biólogo en la Facultad de Estudios Superiores Cuautitlán de la Universidad Nacional Autónoma de México, UNAM. Posteriormente realizó su Maestría en Ciencias, específicamente en Neurobiología, en el Instituto de Neurobiología Campus Juriquilla, también de la UNAM. Además realizó una estancia temporal en el Instituto Nacional de Nutrición y Ciencias Médicas “Salvador Zubirán”.

Actualmente es Jefe de Departamento en la Unidad de Genotipificación y Análisis de Expresión del Instituto Nacional de Medicina Genómica, INMEGEN, donde maneja las plataformas Illumina y Affymetrix. En el mismo INMEGEN, fue responsable de la Unidad de Genotipificación y Análisis de Expresión, y Químico Jefe de Sección de Laboratorio de Análisis Clínicos.

Los temas que componen su campo de acción profesional son: Medicina Genómica, Genómica Clínica, Genómica de Poblaciones, y Microarreglos.

Email: fmorales@inmegen.gob.mx

Dr. Ricardo Alfredo Grande Cano

Jefe Operativo de la Unidad Universitaria de Secuenciación Masiva de DNA, del Instituto de Biotecnología de la UNAM.

El Dr. Ricardo Alfredo Grande estudió Biología en la Facultad de Ciencias de la Universidad Nacional Autónoma de México, UNAM. Realizó su doctorado en Ciencias Bioquímicas en el Instituto de Biotecnología, también de la UNAM.

Previamente fue Investigador Asociado C de TC, para la regulación de la expresión genética en el Instituto de Biotecnología UNAM. Actualmente es Jefe Operativo de la Unidad Universitaria de Secuenciación Masiva de DNA, del Instituto de Biotecnología de la UNAM.

Recibió el Premio Weizmann 2001, otorgado por la Academia Mexicana de Ciencias a la mejor Tesis de Doctorado en el Área de Ciencias Naturales.

Ha participado en 21 congresos nacionales y 15 congresos internacionales, y ha dirigido una tesis de licenciatura y una tesis de maestría.

Forma parte del Sistema Nacional de Investigadores Nivel I, y ha participado en ocho diferentes publicaciones.

Email: rgrande@ibt.unam.mx